

Zákazník: Kateřina Lukešová, Valouškova 4, 63500 Brno, Czech Republic**Vyšetřovaný:**

Vzorek: 24-01307

Datum přijetí vzorku: 16.01.2024

Vyšetřovaný materiál: krev

Údaje poskytnuté zákazníkem

Jméno: Brave to Fly Verline**Rasa:** Australský ovčák

Mikročip: 941 000 022 670 317

Registrační číslo: CMKU/AUO/5556/19

Datum narození: 22.5.2019

Pohlaví: samice

Datum odběru: 15.01.2024

Při odběru byla ověřena identita jedince.

Ověřil/a MVDr. Matěj Sonnenschein, KVL 7608

Výsledek: Mutace nebyla detekována (N/N)**Vysvětlivky:** N/N = normální genotyp. N/P = přenašeč mutace. P/P = mutovaný genotyp (u jedince se s největší pravděpodobností projeví onemocnění). (N = negativní; P = pozitivní)**Komentář k výsledku**

Byla vyšetřena přítomnost či absence mutace c.73C>T genu VMD2 způsobující onemocnění CMR1 (Canine Multifocal Retinopathy typ 1) u plemen Velký pyrenejský pes, Anglický mastiff, Bulmastif, Australský ovčák a příbuzných plemen. Tato mutace vede k vytvoření předčasného stop kodonu (R25X) v psím VMD2 genu; gen je zodpovědný za správné sestavení pigmentového epitelu sítnice. Onemocnění se projevuje podsítnicovou akumulací materiálu, způsobující šedivorůžově zbarvené léze. CMR se většinou rozvíjí velmi brzy, ještě před čtvrtým měsícem života štěněte. K úplné ztrátě zraku dochází obvykle až ve vyšším věku.

Mutace způsobující onemocnění CMR1 je děděna autosomálně recesivně. Nemoc se tedy projeví jen u jedinců P/P, kteří získají mutovaný gen od obou svých rodičů. U heterozygotních jedinců N/P se onemocnění neprojeví, ale jsou jeho přenašeči. Při krytí dvou heterozygotů tedy bude teoreticky 25% potomků zdravých (N/N), 50% potomků budou přenašeči (N/P) a 25% (P/P) zdědí mutované geny od svých rodičů a budou postiženi chorobou CMR1.

Metoda: SOPAgriseq_canine, ngs

Datum vystavení zprávy: 03.02.2024

Datum provedení zkoušky: 16.01.2024 - 03.02.2024

Schválila: Mgr. Martina Šafrová, vedoucí laboratoře

Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999

Kód pro ověření zprávy je 7929-FBM7-634H-Y931-74FH. Jděte na www.genomia.cz pro ověření.

Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.

Výsledek se vztahuje pouze ke vzorku tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.