

Zákazník: Petra Němcová, Krakovany 41, 28127 Krakovany v Čechách, Czech Republic**Vyšetřovaný:**

Vzorek: 21-17466

Datum přijetí vzorku: 13.07.2021

Vyšetřovaný materiál: stěr ústní sliznice

Údaje poskytnuté zákazníkem

Jméno: Blizz Ard Tibi Ipsi Crede**Rasa:** Belgický ovčák

Mikročip: 900 182 001 932 436

Datum narození: 12.5.2021

Pohlaví: samec

Datum odběru: 01.07.2021

Výsledek: N/M1**Komentář k výsledku**

Byla vyšetřena přítomnost genových variant c.284G>T (M1), c.556_571del16 (M3), c.559_560dupGG (M4), c.578C>T (M5) genu FGF5 ovlivňující délku srsti u psů.

- V případě výsledku N/N – pes nenese žádnou variantu specifickou pro dlouhou srst – pes je krátkosrstý
- V případě výsledku N/M1, N/M3, N/M4, N/M5 – pes přenáší dlouhosrstost – pes je krátkosrstý, ale při vhodném křížení může dát dlouhosrsté potomky
- V případě výsledku M1/M1, M3/M3, M4/M4, M5/M5 – pes nese dvě stejné varianty v genu FGF5 – pes je dlouhosrstý
- V případě výsledku M1/M3, M1/M4, M1/M5, M3/M4, M3/M5, M4/M5 – pes je dlouhosrstý (složený heterozygot, zdědil každou variantu od jiného rodiče)

Fenotyp dlouhé srsti je děděn autozomálně recesivně. U psů s dlouhou srstí se nachází stejné nebo různé varianty na obou alelách, které jedinec zdědil od obou rodičů. V případě krytí dvou přenašečů dlouhé srsti vznikne teoreticky 25 % dlouhosrstých potomků. V souvislosti s fenotypem dlouhé srsti byla zjištěna alelická heterogenita, psi mohou být složení heterozygoté pro různé varianty.

U některých plemen nebyla doposud nalezena kauzální varianta pro fenotyp dlouhé srsti.

Metoda: SOP173-FGF5rflp-dog, 172-FGF5, přímé sekvenování DNA

Datum vystavení zprávy: 23.07.2021

Datum provedení zkoušky: 13.07.2021 - 23.07.2021

Schválila: Mgr. Martina Šafrová, vedoucí laboratoře



Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999

Kód pro ověření zprávy je QK2Y-4KQ7-RYNW-85BC-MJTT. Jděte na www.genomia.cz pro ověření.

Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.

Výsledek se vztahuje pouze ke vzorku tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.