

Zákazník: Natálie Jičínská, Sovolusky 3, 535 01 Sovolusky, Czech Republic**Vyšetřovaný:**

Vzorek: 25-07931

Datum přijetí vzorku: 01.04.2025

Vyšetřovaný materiál: stěr ústní sliznice

Údaje poskytnuté zákazníkem

Jméno: Birgit Ginger Storm**Rasa:** Belgický ovčák - Malinois

Mikročip: 203 098 100 455 268

Registrační číslo: CMKU/BOM/11340/19

Datum narození: 04.06.2019

Pohlaví: samice

Datum odběru: 29.03.2025

Výsledek: N/N**Komentář k výsledku**

Byla vyšetřena přítomnost genových variant c.284G>T (M1), c.556_571del16 (M3), c.559_560dupGG (M4), c.578C>T (M5) genu FGF5 ovlivňující délku srsti u psů.

- V případě výsledku N/N – pes nenese žádnou variantu specifickou pro dlouhou srst – pes je krátkosrstý
- V případě výsledku N/M1, N/M3, N/M4, N/M5 – pes přenáší dlouhosrstost – pes je krátkosrstý, ale při vhodném křížení může dát dlouhosrsté potomky
- V případě výsledku M1/M1, M3/M3, M4/M4, M5/M5 – pes nese dvě stejné varianty v genu FGF5 – pes je dlouhosrstý
- V případě výsledku M1/M3, M1/M4, M1/M5, M3/M4, M3/M5, M4/M5 – pes je dlouhosrstý (složený heterozygot, zdědil každou variantu od jiného rodiče)

Fenotyp dlouhé srsti je děděn autozomálně recesivně. U psů s dlouhou srstí se nachází stejné nebo různé varianty na obou alelách, které jedinec zdědil od obou rodičů. V případě krytí dvou přenašečů dlouhé srsti vznikne teoreticky 25 % dlouhosrstých potomků. V souvislosti s fenotypem dlouhé srsti byla zjištěna alelická heterogenita, psi mohou být složení heterozygoté pro různé varianty.

U některých plemen nebyla doposud nalezena kauzální varianta pro fenotyp dlouhé srsti.

Metoda: SOPAgriseq_canine, ngs

Datum vystavení zprávy: 09.04.2025

Datum provedení zkoušky: 01.04.2025 - 09.04.2025

Schválila: Mgr. Markéta Dajbychová, zástupce vedoucí laboratoře



Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999

Kód pro ověření zprávy je 49N8-ADAH-BHFX-WRXX-KWY9. Jděte na www.genomia.cz pro ověření.

Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.

Výsledek se vztahuje pouze ke zkoušenému vzorku, tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.